



Universidad Nacional Mayor de San Marcos

Universidad del Perú. Decana de América

Facultad de Farmacia y Bioquímica

Escuela Académica Profesional de Farmacia y Bioquímica

**Polimorfismo rs12979860 en el gen de IL-28B en
pacientes infectados por VHC genotipo 1 y con
respuesta virológica sostenida del Hospital Edgardo
Rebagliati Martins**

TESIS

Para optar el Título Profesional de Químico Farmacéutico

AUTOR

Rosa Milagros GOYZUETA CARRERA

ASESOR

Mg. Elena Rafaela BENAVIDES RIVERA

Lima, Perú

2013

RESUMEN

Se realizó la revisión de las historias clínicas de los pacientes previa autorización del Hospital Edgardo Rebagliati Martins (HNERM), seleccionado según los criterios de inclusión y exclusión 11 pacientes con infección crónica por el virus de la hepatitis C (VHC) y con tratamiento combinado de Interferón pegilado α -2a (180 μ g/semana) y Ribavirina (1000 – 1200 mg/día) por un período de 48 semanas; 7 de los cuales presentaba Respuesta virológica sostenida (RVS) y 4 eran no respondedores. Se determinó la presencia del polimorfismo rs12979860 ubicado 3 pares kb arriba del gen de la Interleucina 28B mediante la técnica de amplificación de cadena de la polimerasa (PCR, por sus siglas en inglés) a tiempo real. Encontrando que en los pacientes con genotipo CC se tiene 100 % de RVS, frente un 66,7 % y 50 % de RVS en los pacientes con genotipo CT y TT. La población con RVS presenta mayor frecuencia alélica T (57,1 %) en contraste con la frecuencia alélica C (42,9 %). En la población no respondedora tiene predominancia del alelo T (75 %) en comparación con la frecuencia alélica C (25 %).

Palabras clave: VHC, Hepatitis crónica, Interleucina 28 B, RVS.

SUMMARY

We conducted a review of the medical records of patients permission Edgardo Rebagliati Martins Hospital (HNERM), selected according to the inclusion and exclusion criteria 11 patients with chronic hepatitis virus C (HCV) and combined treatment pegylated interferon α -2a (180 μ g/week) and ribavirin (1000 - 1200 mg/day) for a period of 48 weeks, 7 of whom had sustained virologic response (SVR) and 4 were non responders. We determined the presence of the polymorphism rs12979860 located 3 kb upstream of the gene pairs Interleukin 28B by amplification technique polymerase chain (PCR, for its acronym in Spanish) in real time. Finding that in patients with genotype CC has 100 % SVR compared 66,7 % and 50 % SVR in patients with genotype CT and TT. The population has increased SVR T allele frequency (57,1 %) compared with the C allele frequency (42,9 %). In the responder has a predominant population of T allele (75 %) compared to the C allele frequency (25 %).

Keywords: HCV, chronic hepatitis, Interleukin 28 B, RVS.